

Relative ratio of message level (LSMean ± Standard Error) in various stages of preimplantation development*

Gene	MPII	2-Cell	PCM	IVTBL	IVVBL	NTBL
PRKACA	5.76±0.87 ^a	5.89±0.87 ^a	1.08±0.87 ^b	0.37±0.87 ^b	0.55±0.87	0.38±0.87
CCDC95	12.32±0.81 ^a	3.42±0.81 ^a	1.87±0.81 ^b	0.06±0.81 ^b	1.16±0.81	0.13±0.81
PTTG1	21.00±1.27 ^a	6.30±1.27 ^b	0.34±1.27 ^b	0.01±1.27 ^b	0.02±1.27	0.02±1.27
COX8	0.54±0.16 ^b	0.61±0.16 ^b	2.07±0.16 ^a	0.72±0.16 ^b	1.15±0.16	1.02±0.16
HNRPAB	0.13±0.13 ^b	0.17±0.13 ^b	1.70±0.13 ^a	0.74±0.13 ^{b,B}	1.64±0.13 ^A	1.08±0.13 ^B
CKS1	25.32±3.32 ^a	3.43±3.32 ^b	0.46±3.32 ^b	0.05±3.32 ^b	0.10±3.32	0.14±3.32
RPL15	0.29±0.61 ^c	0.12±0.61 ^c	3.24±0.61 ^a	0.70±0.61 ^b	0.94±0.61	1.11±0.61
CALM1	9.06±1.73 ^a	3.18±1.73 ^b	1.14±1.73 ^b	0.20±1.73 ^b	0.69±1.73	0.72±1.73
MT-CO1	0.92±0.17 ^b	0.77±0.17 ^b	0.40±0.17 ^b	1.16±0.17 ^a	1.35±0.17	0.87±0.17
FTH1	0.07±0.20	0.36±0.20	0.72±0.20	1.03±0.20	1.03±0.20	0.96±0.20
COX7B	0.60±0.38	0.13±0.38	2.04±0.38	0.87±0.38	1.22±0.38	0.87±0.38
RPS11	0.94±0.35	0.36±0.35	1.38±0.35	0.60±0.35	1.13±0.35	1.66±0.35
CTSZ	0.99±0.70	3.08±0.70	0.04±0.70	1.55±0.70	1.84±0.70	0.31±0.70
TCRG1	0.34±0.49	1.51±0.49	1.53±0.49	0.39±0.49	1.78±0.49	1.13±0.49
RG9MTD3	0.26±0.65	2.62±0.65	1.74±0.65	0.23±0.65	0.92±0.79	1.57±0.65

*Differences are denoted only after the overall ANOVA showed a difference at P<0.05: ^{a,b,c} Different superscripts within a row are different P<0.05;
^{A,B} Different superscripts within a row are different P<0.05.